Les propositions de communication comprenant le résumé (400 mots maximum) doivent parvenir

**par courrier électronique à**

[**socpatex@pasteur.fr**](mailto:socpatex@pasteur.fr) **avant le 4 septembre 2013**

|  |
| --- |
| **Titre de la communication :**  **Identification des *Ceratopogonidae* (*Diptera*) par MALDI-TOF** |
| **Mots clefs (5 maximum) :**  ***Ceratopogonidae*  - Réservoirs - Vecteurs - Réservoirs - Bactéries** |
| **Proposée en (cocher la case) :**  ★ Communication orale  🔿 Communication affichée |
| **Communication proposée dans la session (cocher la case) :**  🔿 Paludisme et autres maladies parasitaires  ★ Fièvres émergentes - maladies infectieuses tropicales négligées  🔿 Maladies nutritionnelles et diabète  🔿 Maladies cardiovasculaires et complications  🔿 Epilepsies  🔿 Mycoses  🔿 Accès aux soins - Prise en charge VIH et sida  🔿 Financement de la santé - Ressources humaines  🔿 Anthropologie de la santé |
| **Auteurs (noms/prénoms) :**  **Masse Sambou1, 2, Maxence Aubadie1, Ngor Faye2, Georges Diatta1, Hubert Bassène1, Didier Raoult1, Oleg Médiannikov1** |
| **Adresse de correspondance de l’auteur responsable (et affiliation) :** Institut de Recherche pour le Développement, URMITE, UM63, CNRS 7278, IRD 198, Inserm 1095, Campus International de Han, IRD BP 1386 CP 18524 Dakar, Sénégal. Tel: +221338493621. Fax:+221338324307. |
| **Adresse électronique :** masse.sambou@ird.fr  **Téléphone :** 77 354 54 34 |
| Résumé en français (400 mots maximum) :  **Introduction**  Certains Cératopogonidés du genre *Culicoides* jouent le rôle de vecteurs impliqués dans la transmission de plusieurs virus (virus *Oropouche* en Amérique du centre et du sud), de différentes espèces de filaires (*Mansonella perstans* en Amérique du centre et du sud et en Afrique) et de protozoaires (*Leishmania* en Inde). La recherche de vecteurs des agents pathogènes de maladies bactériennes, nous a amené à nous intéresser aux *Ceratopogonidae*, hématophages dans certaines régions du Sénégal.  **Matériel et méthodes**  Des collectes de *Ceratopogonidae* ont été effectuées avec des pièges lumineux CDC modifiés, dans les sites de Dielmo-Ndiop, Mlomp et Kédougou de Janvier 2012 à Juillet 2013. Les spécimens capturés ont été triés sur place, ramenés au laboratoire dans l’azote liquide et conservés, soit dans l’éthanol 70°, soit dans un congélateur à -80°c. Les échantillons ont été identifiés morphologiquement, puis par MALDI-TOF (VITEK-MS, Biomérieux). La détection de l’ADN des bactéries pathogènes a été réalisée par qPCR ciblée pour les gènes *gltA* (pour *Rickettsia* spp.), ITS (*Bartonella* spp.) et 16s (toutes bactéries).  **Résultats préliminaires**  Au total, 1819 *Ceratopogonidae* hématophages appartenant au genre *Culicoides* ont été identifiés morphologiquement. Les espèces *C. enderleini*, *C. subschultzei*, *C. imicola*, *C. wansoni*, *C. magnus*, *C. quinquefaciatus* étaient plus rencontrées. Des super spectres de *C. enderleini, C. subschultzei, C. imicola* ont été obtenus par MALDI-TOF. Sur les 1819 *Culicoides,* 61 individus ont été utilisés en culture bactérienne et ont servi à isoler 37 souches non enregistrées dans la base de données bactérienne SARAMIS. Aucune trace d’ADN de *Rickettsia* ou *Bartonella* n’a été détectée sur les 613 *Culicoides*, qui ont été testés en biologie moléculaire.  **Conclusion**  Cette étude a permis de créer la première base de données de spectres de *Culicoides* en Afrique et a montré l’utilité de la technologie MALDI-TOF pour l’identification des *Culicoides*. Nous n’avons pas identifié les bactéries pathogènes des genres *Rickettsia* et *Bartonella* chez les *Culicoides*. Nous avons réussi l’isolement de 37 souches bactériennes à partir des *Culicoides*. L’identification des souches par biologie moléculaire est en cours. |